

Dichiarazione di unicità e necessità dei reagenti associati

Il sottoscritto Francesco Mazzearelli, in qualità di Regional Sales Manager della società **Vazyme Hungary Kft**, dichiara quanto segue:

Il reagente **NR616 – VAHTS Universal V10 RNA-seq Library Prep Kit (Premixed Version)** rappresenta, allo stato attuale del mercato, **l'unica soluzione tecnologica disponibile** che consente la preparazione di librerie RNA-seq **compatibili in modo nativo e diretto con piattaforme di sequenziamento Illumina e MGI**, senza necessità di conversioni, reagenti aggiuntivi o modifiche chimiche post-preparazione. Tale caratteristica di **multiplatforma integrata in un unico kit** è esclusiva e non replicata da alcun altro prodotto concorrente.

Per garantire il corretto svolgimento del protocollo e assicurare le prestazioni dichiarate dal produttore, è necessario utilizzare i reagenti di supporto di seguito elencati, che costituiscono parte integrante del workflow:

- **N420-02 – Ribo-MagOff rRNA Depletion Kit (Human/Mouse/Rat)**
- **N403-01 – VAHTS mRNA Capture Beads 2.0**
- **NM202-01 – VAHTS Universal Circularization Kit for MGI**
- **NM35101 / NM35102 / NM35103 / NM35104 – VAHTS Dual UMI UDB Adapters Set 1–4 for MGI**
- **EQ121-02 – Equalbit 1× dsDNA HS Assay Kit**
- **EQ211-02 – Equalbit RNA HS Assay Kit**
- **EQ311-02 – Equalbit ssDNA Assay Kit**
- **N412-02 – VAHTS RNA Clean Beads**

Sebbene tali reagenti non siano, presi singolarmente, unici sul mercato, **essi risultano tecnicamente necessari e inscindibilmente collegati all'utilizzo del kit NR616**, poiché:

- assicurano la compatibilità chimica con la tecnologia brevettata del kit NR616;
- garantiscono la qualità, riproducibilità e affidabilità dei dati;
- costituiscono gli unici reagenti pienamente conformi al workflow ufficiale del produttore, indispensabili per il conseguimento delle prestazioni multiplatforma dichiarate.

Pertanto, il kit NR616 deve essere considerato unico e non sostituibile, mentre i reagenti associati sopra elencati devono essere considerati **necessari e funzionalmente vincolati al suo utilizzo**, al fine di garantire l'esecuzione corretta e completa del protocollo RNA-seq su piattaforme Illumina e MGI.

Luogo e data: San Giovanni Rotondo, 20/10/2025

Firma:

